

**Andrey KAJAVA**

Equipe Bioinformatique structurale  
et modélisation moléculaire  
CRBM - UMR 5237 CNRS & UM  
1919 Route de Mende, Cedex 05  
34293 Montpellier, France



**Stage M1 ou L3 – 4 mois – Développement d'interfaces web pour des outils bioinformatiques**

Spécialisé en bio-informatique structurale, nous travaillons sur un certain nombre de problématiques liées (identification en séquence et en structure des régions répétées en tandem des protéines, études des régions amyloïdogéniques, prédiction de la 3D structure des protéines, ...). <https://www.crbm.cnrs.fr/team/bioinformatique-structurale-modelisation-moleculaire/>; <http://bioinfo.montp.cnrs.fr/>.

Au cours de nos travaux nous avons développé un certain nombre d'outils que nous souhaiterions rendre plus largement accessibles au reste de la communauté scientifique. Votre travail consistera à créer un nouveau (ou à améliorer l'actuel) site web intégrant ces divers outils.

Le développement se ferait en PHP ou Django (nous sommes ouvert à d'autres proposition de technologies), nous attendons du stagiaire qu'il soit rigoureux dans l'architecture et la documentation du site web et des services sous-jacents. Outre ces compétences en développement web nous attendons de la part du stagiaire une bonne maîtrise de l'environnement GNU/Linux (le serveur hébergeant les outils de l'équipe utilise Debian).

Ce stage vous permettra de découvrir un environnement de recherche scientifique multidisciplinaire, de découvrir les métiers liés à la recherche et les poursuites d'études possibles dans ce domaine. Notre laboratoire est situé à Montpellier (une ville jeune et dynamique) au sein du campus du CNRS (jouxant l'université), le laboratoire est accessible par le réseau de tramway.

Les candidatures (CV et lettre de motivation) sont à envoyer au format électronique à: Andrey Kajava ([andrey.kajava@crbm.cnrs.fr](mailto:andrey.kajava@crbm.cnrs.fr))